

VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ZUSAMMENARBEIT Huber & Schüßler  
AUF DEM GEBIET DES PATENTWESENS Patentanwälte

Recd PCT/PTO

19.JUL.2004

10/501962

Absender:

ANMELDEAMT,.....  
Wiederum angegeben

Patentanwälte  
Huber & Schüßler  
Truderinger Str. 246

81825 München

Name und Anschrift des Anwalts, falls kein Anwalt, des Anmelders

ABSENDENDE DATUM beim Anmeldeamt

20. Jan. 2003

AKTENZEICHEN DES ANMELDERS ODER ANWALTS

K 3125

KENNZEICHNUNG DER VORGEBLICHEN INTERNATIONALEN ANMELDUNG

Internationales Aktenzeichen

PCT/DE 03/00124

Bezeichnung der Erfindung

Konjugat zur Behandlung  
prokaryontischer Infektionen

Anmelder (Name)

Deutsches Krebsforschungszentrum  
Stiftung des öffentlichen Rechts u.a.

MITTEILUNG

Hiermit wird dem Anmelder mitgeteilt, daß beim Anmeldeamt am

17. Jan. 2003

(Eingangsdatum der Unterlagen)

Unterlagen eingegangen sind, die eine internationale Anmeldung darstellen sollen.

Der Anmelder wird darauf hingewiesen, daß diese Unterlagen vom Anmeldeamt in Bezug auf die Erfordernisse von Artikel 11 Absatz 1, d.h. auf ihre Übereinstimmung mit den Erfordernissen für die Zuerkennung des internationalen Anmeldedatums, noch nicht geprüft worden sind.

Den Unterlagen ist vorläufig das oben angegebene internationale Aktenzeichen zugewiesen worden. Der Anmelder wird hiermit aufgefordert, im Schriftverkehr mit dem Anmeldeamt auf dieses Aktenzeichen Bezug zu nehmen.

DAS ANMELDEAMT

Name und Postanschrift des Anmeldeamts

DEUTSCHES PATENT- UND MARKENAMT  
80297 München

Bevollmächtigter Bediensteter

Wosner

Regierungsangestellte

Telefonnr. (0 89) 21 95 - 22 21

4723



Huber & Schüssler · Truderinger Straße 246 · 81825 München  
Europäisches Patentamt  
80296 München

Truderinger Straße 246  
D-81825 München  
Tel.: \*\*49.89.437788-0  
Fax: \*\*49.89.43778899  
munich@huber-schuessler.com  
www.huber-schuessler.com

Dr. Bernard Huber  
Dipl.-Biologe  
Dr. Andrea Schüssler  
Dipl.-Chemikerin  
Robert Harrison, Ph.D.  
Chartered Physicist

In Zusammenarbeit mit  
Patentanwälten  
Dr. Klaus Castell  
Dipl.-Ingenieur  
Martin Reuther  
Dipl.-Physiker  
Gutenbergstraße 12  
52349 Düren

6. Mai 2003

**Aktenzeichen: PCT/DE03/00124**

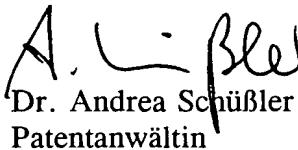
**Anmelder: DKFZ**

**Unser Zeichen: K 3125 - sch / tz**

Auf die Aufforderung zur Vorlage des Protokolls einer Nukleotid- und/oder Aminosäuresequenz vom 09/04/2003 wird anliegend eingereicht:

- ein Sequenzprotokoll,
- ein Sequenzprotokoll in Computer-lesbarer Form und
- eine Erklärung gemäß Regel 13<sup>ter</sup>.1 (a) und (b) PCT

Es wird angenommen, daß mit vorstehenden Unterlagen die Erfordernisse zur Einreichung eines Sequenzprotokolls erfüllt sind. Sollten jedoch noch weitere Änderungen nötig sein, so wird beantragt, eine entsprechende Aufforderung zuzusenden.

  
Dr. Andrea Schüssler  
Patentanwältin

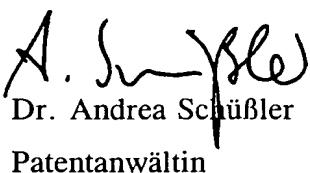
HypoVereinsbank München  
(BLZ 700 202 70)  
4410 221 220

Deutsche Bank München  
(BLZ 700 700 24)  
4 362 000

**Erklärung gemäß Regel 13<sup>ter</sup>.1(a) und (b) PCT**

Es wird hiermit erklärt, daß das Sequenzprotokoll nicht über den Inhalt der Anmeldung in der ursprünglich eingereichten Fassung hinausgeht.

Es wird weiterhin erklärt, daß die auf dem Datenträger gespeicherte Information mit dem schriftlichen Sequenzprotokoll übereinstimmt.

  
Dr. Andrea Schüßler  
Patentanwältin

<110> Deutsches Krebsforschungszentrum Stiftung des öffentlichen Rechts  
Braun, Klaus  
Braun, Isabell  
Debus, Jürgen  
Pipkorn, Rüdiger  
Waldeck, Waldemar

<120> Konjugat zur Behandlung prokaryontischer Infektionen

<130> K 3125

<140> PCT/DE 03/00124

<141> 2003-01-17

<150> DE 102 01 862.6

<151> 2002-01-18

<160> 31

<170> PatentIn version 3.2

<210> 1

<211> 15

<212> DNA

<213> Künstliche Sequenz

<220>

<223> PNA

<400> 1

attgttagat ttcat

15

<210> 2

<211> 14

<212> DNA

<213> Künstliche Sequenz

<220>

<223> PNA

<400> 2

tcttggtaaa tcata

14

<210> 3

<211> 600

<212> DNA

<213> Künstliche Sequenz

<220>

<223> Klonierungsvektor

<400> 3

ttctcatgtt tgacagctta tcatacgataa gcttaatgc ggtatggatcacatggataaa

60

ttgctaacgc agtcaggcac cgttatgaa atctaacaat gcgcctcatcg tcataccctgg

120

caccgtcacc ctggatgctg taggcatagg cttggatgt ccggactgc cggccctctt

180

gcggatatc gtccattccg acagcatcgc cagtcactat ggcgtgctgc tagcgctata

240

tgcgttatg caatttctat gcgcacccgt tctcgagca ctgtccgacc gctttggccg

300

ccgcccagtc ctgctcgctt cgctacttgg agccactatc gactacgcga tcatggcgcac

360

cacacccgtc	ctgtggatcc	tctacgccgg	acgcacatcg	tg	gccggcatca	ccggcgccac	420					
agg	tg	cg	gtt	gc	cc	at	480					
cttcggg	ctc	atg	agc	gtt	cg	ccgt	540					
actgttggc	gccatctc	cct	tgcatgc	acc	attc	cttg	cg	tc	aac	ggc	cct	600

<210> 4  
 <211> 109  
 <212> PRT  
 <213> Bacteriophage P1

<400> 4

Met Leu Asp Thr Gln Glu Leu Ala Pro Val Ala Ile Ala Leu Leu Leu  
 1 5 10 15

Ser Val Ile Gly Gly Ile Gly Thr Phe Leu Met Asp Val Arg Asp Gly  
 20 25 30

Arg Gln Ser Gly Asn Leu Leu Gly Leu Val Thr Glu Ile Phe Val Ala  
 35 40 45

Val Thr Ala Gly Ala Val Ala Tyr Leu Leu Gly Gln His Glu Gly Trp  
 50 55 60

Glu Leu Ser Ile Thr Tyr Leu Met Val Thr Ile Ala Ser Asn Asn Gly  
 65 70 75 80

His Glu Val Ile Ser Gly Met Lys Arg Val Asn Ile Asp Ser Ile Leu  
 85 90 95

Asn Val Leu Thr Ser Leu Val Lys Gly Gly Gly Lys  
 100 105

<210> 5  
 <211> 68  
 <212> PRT  
 <213> Bacteriophage H19B

<400> 5

Met Glu Lys Ile Thr Thr Gly Val Ser Tyr Thr Thr Ser Ala Val Gly  
 1 5 10 15

Thr Gly Tyr Trp Leu Leu Gln Leu Leu Asp Lys Val Ser Pro Ser Gln  
 20 25 30

Trp Val Ala Ile Gly Val Leu Gly Ser Leu Leu Phe Gly Leu Leu Thr  
 35 40 45

Tyr Leu Thr Asn Leu Tyr Phe Lys Ile Arg Glu Asp Arg Arg Lys Ala  
 50 55 60

Val Arg Gly Glu  
65

<210> 6  
<211> 96  
<212> PRT  
<213> Bacteriophage A118

<400> 6

Met Ile Glu Met Glu Phe Gly Lys Glu Leu Leu Val Tyr Met Thr Phe  
1 5 10 15

Leu Val Val Val Thr Pro Val Phe Val Gln Ala Ile Lys Lys Thr Glu  
20 25 30

Leu Val Pro Ser Lys Trp Leu Pro Thr Val Ser Ile Leu Ile Gly Ala  
35 40 45

Ile Leu Gly Ala Leu Ala Thr Phe Leu Asp Gly Ser Gly Ser Leu Ala  
50 55 60

Thr Met Ile Trp Ala Gly Ala Leu Ala Gly Ala Gly Gly Thr Gly Leu  
65 70 75 80

Phe Glu Gln Phe Thr Asn Arg Ser Lys Lys Tyr Gly Glu Asp Asp Lys  
85 90 95

<210> 7  
<211> 143  
<212> PRT  
<213> Lactobacillus casei bacteriophage A2

<400> 7

Met Lys Ile Asn Trp Lys Val Ala Val Leu Ser Val Lys Phe Trp Leu  
1 5 10 15

Ala Leu Val Pro Ala Ala Leu Leu Val Val Gln Thr Ala Ala Ala Val  
20 25 30

Phe Gly Tyr Asn Trp Asp Phe Ala Asn Leu Gly Lys Glu Leu Thr Ala  
35 40 45

Val Ile Asn Ala Val Phe Ala Leu Leu Thr Ile Val Gly Val Ala Val  
50 55 60

Asp Pro Thr Thr Glu Gly Val Ser Asp Ser Gln Gln Ala Leu Ala Tyr  
65 70 75 80

Pro Ala Leu Ile Thr Thr Lys Ala Ala Lys Ile Lys Ser Leu Glu Asp  
85 90 95

Gln Ile Lys Ala Leu Gln Ala Asp Lys Ala Ala Asp Gln Ala Thr Ser  
100 105 110

Ala Ala Ser Glu Val Val Pro Glu Thr Ser Ser Ala Ala Pro Ala Glu  
 115 120 125

Ser Ala Pro Glu Ser Val Ala Pro Val Ala Ser Glu Glu Val Lys  
 130 135 140

<210> 8  
 <211> 142  
 <212> PRT  
 <213> Lactobacillus bacteriophage phig 1e

<400> 8

Met Asp Ile Ile Thr Ser Leu Asn Leu Ala Thr Ala Gly Glu Leu Ala  
 1 5 10 15

Leu Ile Ser Phe Phe Gly Val Ile Val Gln Ala Ile Lys Lys Thr  
 20 25 30

Gly Lys Val Lys Asn Thr Tyr Leu Pro Phe Ile Ser Met Gly Ile Gly  
 35 40 45

Ile Leu Ala Gly Leu Ala Ala Val Val Val Thr Lys Asp Thr Asn Tyr  
 50 55 60

Leu Asn Gly Ala Val Ala Gly Leu Ile Val Gly Ala Ala Thr Ser Gly  
 65 70 75 80

Leu Thr Asp Gly Leu Ser Val Gly Thr Ser Ala Val Thr Thr Ala Lys  
 85 90 95

Ala Thr Lys Asp Ala Ala Lys Thr Ala Ala Ile Thr Gln Ala Val Leu  
 100 105 110

Asn Ser Ile Asn Thr Thr Lys Ser Ser Asp Thr Thr Gln Val Ala Asn  
 115 120 125

Thr Ser Asn Thr Glu Gly Gly Ser Thr Ser Glu Thr Gln Lys  
 130 135 140

<210> 9  
 <211> 107  
 <212> PRT  
 <213> Lactobacillus delbrueckii subsp. lactis bacteriophage LL-H  
 <400> 9

Met Thr Leu Ile Asp Trp Phe Asn Leu Ile Val Ala Ile Gly Thr Ile  
 1 5 10 15

Ala Leu Ala Val Val Ala Ser Val Tyr Val His Leu Lys Ala Lys Ile  
 20 25 30

Asp Thr Lys Thr Ala Ala Gly Lys Ala Phe Asp Leu Val Gly Lys Leu  
 35 40 45

Ala Val Trp Ala Val Asn Glu Ala Glu His Ser Gln Asp Gly Gly Ala  
 50 55 60

Ala Lys Arg Glu Phe Ala Ala Lys Leu Ile Ser Asp Gln Leu Lys Ala  
 65 70 75 80

Lys Gly Ile Thr Gly Ile Asp Glu Lys Met Val Tyr Gly Ala Val Glu  
 85 90 95

Thr Ala Trp Lys Glu Ala Ile Glu Asn Val Lys  
 100 105

<210> 10

<211> 44

<212> PRT

<213> Lactococcus phage c2

<400> 10

Met Ile Glu Thr Leu Arg Ala Ile Gly Leu Val Val Phe Met Gln Leu  
 1 5 10 15

Leu Ser Leu Ala Leu Glu Phe Ile Asp Thr Gly Thr Leu Lys Pro Ser  
 20 25 30

Val Arg Lys Arg Ile Ala Val Glu Leu Met Val Leu  
 35 40

<210> 11

<211> 74

<212> PRT

<213> bacteriophage phi AM2

<400> 11

Met Phe Phe Asn Asn Lys Phe Tyr Asn Val Ile Lys Trp Ala Val Leu  
 1 5 10 15

Thr Ala Leu Pro Ala Leu Ser Val Phe Ile Gly Val Ile Gly Lys Ala  
 20 25 30

Tyr Gly Trp Gly Gly Thr Asp Leu Ala Ile Ile Thr Leu Asn Ala Phe  
 35 40 45

Thr Val Phe Leu Gly Thr Leu Ala Gly Val Ser Ala Val Lys Tyr Asn  
 50 55 60

Ser Gln Pro Asn Asp Thr Lys Glu Asn Lys  
 65 70

<210> 12

<211> 88

<212> PRT  
 <213> Bacteriophage Tuc2009

<400> 12

Met Asn Gln Ile Asn Trp Lys Leu Arg Leu Lys Ser Lys Ala Phe Trp  
 1 5 10 15

Leu Ala Leu Leu Pro Ala Leu Phe Leu Leu Ile Gln Ala Ile Gly Ala  
 20 25 30

Pro Phe Gly Tyr Lys Trp Asp Phe Val Ile Leu Asn Gln Gln Leu Ala  
 35 40 45

Ala Val Val Asn Ala Ala Phe Ala Leu Leu Ala Ile Val Gly Val Val  
 50 55 60

Ala Asp Pro Thr Thr Ser Gly Leu Gly Asp Ser Asp Arg Val Leu Asn  
 65 70 75 80

Lys Asp Lys Ser Glu Glu Asn Lys  
 85

<210> 13

<211> 88

<212> PRT  
 <213> Bacteriophage TPW22

<400> 13

Met Asn Gln Ile Asn Trp Lys Leu Arg Leu Lys Ser Lys Ala Phe Trp  
 1 5 10 15

Leu Ala Leu Leu Pro Ala Leu Phe Leu Leu Ile Gln Ala Ile Gly Ala  
 20 25 30

Ser Phe Gly Tyr Lys Trp Asn Phe Val Ile Leu Asn Gln Gln Leu Ala  
 35 40 45

Ala Val Val Asn Ala Ala Phe Ala Leu Leu Ala Ile Val Gly Val Val  
 50 55 60

Ala Asp Pro Thr Thr Ser Gly Leu Gly Asp Ser Asp Arg Val Leu Asn  
 65 70 75 80

Lys Asp Lys Ser Glu Glu Asn Lys  
 85

<210> 14

<211> 74

<212> PRT

<213> homology to orf78 of phage HP1 and gene S of phage P21

<400> 14

Met Arg Phe Asn Met Leu Lys Asn Ser Glu Thr Thr Gly Ala Tyr Val  
 Seite 6

Gly Ser Ala Ile Ala Ile Tyr Ser Gly Phe Thr Leu Ala Asp Trp Ala  
20 25 30

Ala Ile Phe Gly Ile Leu Phe Gly Leu Phe Thr Met Leu Ile Asn Trp  
35 40 45

Tyr Tyr Lys Asn Lys Glu Ile Lys Leu Lys Glu Thr Ala Leu Lys Gln  
50 55 60

Lys Ile Asp Leu Lys Glu Gly Asp His Glu  
65 70

<210> 15  
<211> 133

<212> PRT  
<213> *Bacillus* phage GA-1

<400> 15

Met Phe Glu Phe Phe His Ser Leu Met Glu Thr Asp Asp Thr Lys Val  
1 5 10 15

Tyr Phe Leu Leu Gly Ile Ile Gly Val Leu Asn Ile Val Asp Phe Phe  
20 25 30

Phe Gly Phe Ile Asn Ala Lys Phe Asn Lys Ser Ile Ala Tyr Lys Ser  
35 40 45

Ser Lys Thr Ile Asp Gly Ile Met Arg Lys Met Lys Phe Thr Ile Met  
50 55 60

Ala Ile Leu Phe Ile Pro Val Ser Val Leu Met Pro Glu Pro Ile Gly  
65 70 75 80

Leu Gly Ala Leu Tyr Val Phe Tyr Phe Gly Tyr Ile Tyr Ala Glu Leu  
85 90 95

Asn Ser Ile Leu Ser His Leu Lys Leu Ser Glu Asp Gly Lys Glu Thr  
100 105 110

Glu Val Phe Leu Asp Phe Ile Asn Thr Phe Phe Asn Ser Thr Lys Gly  
115 120 125

Asp Lys Lys Asp Asp  
130

<210> 16  
<211> 57  
<212> PRT  
<213> *Staphylococcus* phage 187

<400> 16

Met Leu Met Val Ile Met Val Gly Asn Val Gly Ile Tyr Leu Thr Ile  
 1 5 10 15

Phe Leu Ile Asp Thr Gly Thr Leu Arg His Gln Ala Thr Gln Glu Ile  
 20 25 30

Trp His Gly Ile Asp Ile Leu Lys Gly Leu Lys Cys Leu Glu Thr Leu  
 35 40 45

Leu Ile Leu Ser Leu Asn Gln Val Ile  
 50 55

<210> 17

<211> 71

<212> PRT

<213> *Shigella dysenteriae*

<400> 17

Met Tyr Gln Met Glu Lys Ile Thr Thr Gly Val Ser Tyr Thr Thr Ser  
 1 5 10 15

Ala Val Gly Met Gly Tyr Trp Phe Leu Gln Phe Leu Asp Arg Val Ser  
 20 25 30

Pro Ser Gln Trp Ala Ala Ile Gly Val Leu Gly Ser Leu Leu Phe Gly  
 35 40 45

Leu Leu Thr Tyr Leu Thr Asn Leu Tyr Phe Lys Ile Arg Glu Asp Arg  
 50 55 60

Arg Lys Ala Ala Arg Gly Glu  
 65 70

<210> 18

<211> 75

<212> PRT

<213> *Künstliche Sequenz*

<220>

<223> *Holin*

<400> 18

Met Glu Arg Trp Thr Leu Leu Asp Ile Leu Ala Phe Leu Leu Leu  
 1 5 10 15

Ser Leu Leu Leu Pro Ser Leu Leu Ile Met Phe Ile Pro Ser Met Tyr  
 20 25 30

Lys Gln His Ala Ser Leu Trp Lys Ala Arg Ser Leu Ala Lys Thr Leu  
 35 40 45

Ser Met Ala Ser Ser Ala Arg Leu Thr Pro Leu Ser Ser Ser Arg Thr  
 50 55 60

Pro Cys Val Leu Lys Gln Asp Ser Lys Lys Leu  
65 70 75

<210> 19  
<211> 87  
<212> PRT  
<213> B.subtilis  
  
<400> 19

Met Asn Thr Phe Asp Lys Gly Thr Val Ile Arg Thr Val Leu Leu Leu  
1 5 10 15

Ile Ala Leu Ile Asn Gln Thr Met Leu Met Leu Gly Lys Ser Pro Leu  
20 25 30

Asp Ile Gln Glu Glu Gln Val Asn Gln Leu Ala Asp Ala Leu Tyr Ser  
35 40 45

Ala Gly Ser Ile Ala Phe Thr Ile Gly Thr Thr Leu Ala Ala Trp Phe  
50 55 60

Lys Asn Asn Tyr Val Thr Glu Lys Gly Lys Lys Gln Arg Asp Leu Leu  
65 70 75 80

Arg Asp Asn Asn Leu Thr Lys  
85

<210> 20  
<211> 70  
<212> PRT  
<213> Bacillus subtilis 168 prophage

<400> 20

Met Glu Met Asp Ile Thr Gln Tyr Leu Ser Thr Gln Gly Pro Phe Ala  
1 5 10 15

Val Leu Phe Cys Trp Leu Leu Phe Tyr Val Met Lys Thr Ser Lys Glu  
20 25 30

Arg Glu Ser Lys Leu Tyr Asn Gln Ile Asp Ser Gln Asn Glu Val Leu  
35 40 45

Gly Lys Phe Ser Glu Lys Tyr Asp Val Val Ile Glu Lys Leu Asp Lys  
50 55 60

Ile Glu Gln Asn Phe Lys  
65 70

<210> 21  
<211> 88  
<212> PRT  
<213> Bacillus subtilis 168 prophage

&lt;400&gt; 21

Met Phe Glu Asn Ile Asp Lys Gly Thr Ile Val Arg Thr Leu Leu Leu  
 1 5 10 15

Ala Ile Ala Leu Leu Asn Gln Ile Met Val Met Leu Gly Lys Ala Ala  
 20 25 30

Phe Ile Ile Asn Glu Glu Asp Ile Asn His Leu Tyr Asp Cys Leu Tyr  
 35 40 45

Thr Ile Phe Thr Ile Val Phe Thr Thr Ser Thr Thr Ala Ala Trp  
 50 55 60

Phe Lys Asn Asn Tyr Ile Thr Ala Lys Gly Lys Lys Gln Lys Gln Val  
 65 70 75 80

( ) Leu Lys Lys Glu Asn Leu Phe Lys  
 85

&lt;210&gt; 22

&lt;211&gt; 119

&lt;212&gt; PRT

&lt;213&gt; Bacteriophage phi-Ea1h

&lt;400&gt; 22

Met Arg Lys Ile Tyr Val Val Ile Ile Thr Thr Ile Val Val Ala Gly  
 1 5 10 15

Leu Ile Trp Ala Phe Ile Ala Thr Gln Val Asn Thr Gly Val Thr Ser  
 20 25 30

Lys Arg Gln Glu Asp Ala Leu Ala Val Ser Glu Ala Asn Val Gly Ile  
 35 40 45

Gly Lys Glu Ala Lys Asp Gln Gly Glu Gln Ala Thr Lys Arg Ala Asp  
 50 55 60

Val Ala Lys Glu Gln Arg Thr His Gln Ile Asn Gln Leu Lys Asp Lys  
 65 70 75 80

Leu His Glu Lys Ala Glu Ser Tyr Asp Ser Ile Pro Leu Ser Pro Ser  
 85 90 95

Asp Val Asp Ile Leu Cys Arg Ala Tyr Arg Ser Thr Asp Pro Val Cys  
 100 105 110

Ser Pro Thr Val Lys Ser Asp  
 115

<210> 23  
 <211> 91

<212> PRT  
 <213> Phage phiX174

<400> 23

Met Val Arg Trp Thr Leu Trp Asp Thr Leu Ala Phe Leu Leu Leu Leu  
 1 5 10 15

Ser Leu Leu Leu Pro Ser Leu Leu Ile Met Phe Ile Pro Ser Thr Phe  
 20 25 30

Lys Arg Pro Val Ser Ser Trp Lys Ala Leu Asn Leu Arg Lys Thr Leu  
 35 40 45

Leu Met Ala Ser Ser Val Arg Leu Lys Pro Leu Asn Cys Ser Arg Leu  
 50 55 60

Pro Cys Val Tyr Ala Gln Glu Thr Leu Thr Phe Leu Leu Thr Gln Lys  
 65 70 75 80

Lys Thr Cys Val Lys Asn Tyr Val Gln Lys Glu  
 85 90

<210> 24  
 <211> 109  
 <212> PRT  
 <213> Künstliche Sequenz

<220>  
 <223> Holin

<400> 24

Met Pro Cys Leu Ile His Leu Val Gly Trp Gly Ser Ser Pro Gly Ser  
 1 5 10 15

Ala Leu Ile Arg Glu Gln Ala Ile Gly Ala Gly Leu Ala Ala Trp Met  
 20 25 30

Thr Cys Leu Arg Gly Arg Tyr Leu Gly Arg Gly Trp Arg Lys Thr Thr  
 35 40 45

Phe Asp Ala Ala Ile Cys Ala Leu Ile Ala Trp Phe Ala Arg Asp Gly  
 50 55 60

Leu Ala Leu Val Gly Ile Asp Asn Gln Phe Ser Tyr Leu Ser Ser Ile  
 65 70 75 80

Ile Val Gly Tyr Leu Gly Asn Asp Tyr Leu Gly Ala Leu Leu Arg Arg  
 85 90 95

Arg Leu Glu Lys Lys Ser Gly Glu Ser Asn Ala Pro Gln  
 100 105

<210> 25

<211> 95  
 <212> PRT  
 <213> Listeria innocua

<400> 25

Met Met Lys Met Glu Phe Gly Lys Glu Leu Leu Val Tyr Met Thr Phe  
 1 5 10 15

Leu Val Val Val Thr Pro Val Phe Val Gln Ala Ile Lys Lys Thr Glu  
 20 25 30

Leu Ile Pro Ser Lys Trp Leu Pro Thr Val Ser Ile Leu Val Gly Ala  
 35 40 45

Ile Leu Gly Ala Leu Ala Thr Ser Leu Asp Gly Ser Gly Ser Leu Ala  
 50 55 60

Thr Met Ile Trp Ala Gly Ala Leu Ala Gly Ala Gly Gly Thr Gly Leu  
 65 70 75 80

Phe Glu Gln Phe Thr Asn Arg Ala Lys Lys Tyr Gly Lys Asp Asp  
 85 90 95

<210> 26  
 <211> 145  
 <212> PRT  
 <213> bacteriophage 80 alpha

<400> 26

Met Asp Ile Asn Trp Lys Leu Arg Phe Lys Asn Lys Ala Val Leu Thr  
 1 5 10 15

Gly Leu Val Gly Ala Leu Phe Val Phe Ile Lys Gln Val Thr Asp Leu  
 20 25 30

Phe Gly Leu Asp Leu Ser Thr Gln Leu Asn Gln Ala Ser Ala Ile Ile  
 35 40 45

Gly Ala Ile Leu Thr Leu Leu Thr Gly Ile Gly Val Ile Thr Asp Pro  
 50 55 60

Thr Ser Lys Gly Val Ser Asp Ser Ser Ile Ala Gln Thr Tyr Gln Ala  
 65 70 75 80

Pro Arg Asp Ser Lys Lys Glu Glu Gln Gln Val Thr Trp Lys Ser Ser  
 85 90 95

Gln Asp Ser Ser Leu Thr Pro Glu Leu Ser Ala Lys Ala Pro Lys Glu  
 100 105 110

Tyr Asp Thr Ser Gln Pro Phe Thr Asp Ala Ser Asn Asp Val Gly Phe  
 115 120 125

Asp Val Asn Glu Tyr His His Gly Gly Gly Asp Asn Ala Ser Lys Ile  
 130 135 140

Asn  
 145

<210> 27  
 <211> 145  
 <212> PRT  
 <213> *Staphylococcus bacteriophage phi 11*

<400> 27

Met Asp Ile Asn Trp Lys Leu Arg Phe Lys Asn Lys Ala Val Leu Thr  
 1 5 10 15

Gly Leu Val Gly Ala Leu Phe Val Phe Ile Lys Gln Val Thr Asp Leu  
 20 25 30

Phe Gly Leu Asp Leu Ser Thr Gln Leu Asn Gln Ala Ser Ala Ile Ile  
 35 40 45

Gly Ala Ile Leu Thr Leu Leu Thr Gly Ile Gly Val Ile Thr Asp Pro  
 50 55 60

Thr Ser Lys Gly Val Ser Asp Ser Ser Ile Ala Gln Thr Tyr Gln Ala  
 65 70 75 80

Pro Arg Asp Ser Lys Lys Glu Glu Gln Gln Val Thr Trp Lys Ser Ser  
 85 90 95

Gln Asp Ser Ser Leu Thr Pro Glu Leu Ser Ala Lys Ala Pro Lys Glu  
 100 105 110

Tyr Asp Thr Ser Gln Pro Phe Thr Asp Ala Ser Asn Asp Val Gly Phe  
 115 120 125

Asp Val Asn Glu Tyr His His Gly Gly Gly Asp Asn Ala Ser Lys Ile  
 130 135 140

Asn  
 145

<210> 28  
 <211> 138  
 <212> PRT  
 <213> *Streptococcus pneumoniae bacteriophage MM1*

<400> 28

Met Lys Ile Glu Phe Phe Asn Phe Leu Arg Ser Val Ile Gln Thr Glu  
 1 5 10 15

Asp Gly Leu Val Leu Tyr Ala Leu Ala Leu Ile Val Ser Met Glu Ile  
 Seite 13

Ile Asp Phe Val Thr Gly Thr Ile Ala Ala Ile Ile Asn Pro Asp Ile  
 35 40 45

Glu Tyr Lys Ser Lys Ile Gly Ile Asn Gly Leu Leu Arg Lys Ile Ser  
 50 55 60

Gly Val Leu Leu Leu Met Ile Leu Ile Pro Ala Ser Val Leu Leu Pro  
 65 70 75 80

Glu Lys Thr Gly Phe Ala Phe Leu Tyr Ser Ile Cys Leu Gly Tyr Ile  
 85 90 95

Ala Phe Thr Phe Gln Ser Leu Ile Glu Asn Tyr Arg Lys Leu Lys Gly  
 100 105 110

( ) Asn Val Thr Leu Phe Gln Pro Ile Val Lys Val Phe Gln Arg Leu Leu  
 115 120 125

Glu Lys Asp Asp Asp Thr Lys Lys Gly Glu  
 130 135

<210> 29

<211> 86

<212> PRT

<213> Streptococcus thermophilus bacteriophage Sfi21

<400> 29

Met Lys Lys Arg Lys Lys Met Ile Asn Phe Lys Leu Arg Leu Gln  
 1 5 10 15

Asn Lys Ala Thr Leu Val Ala Leu Ile Ser Ala Val Phe Leu Met Leu  
 20 25 30

Gln Gln Phe Gly Leu His Val Pro Asn Asn Ile Gln Gly Ile Asn Thr  
 35 40 45

Leu Val Gly Ile Leu Val Ile Leu Gly Ile Ile Thr Asp Pro Thr Thr  
 50 55 60

Lys Gly Ile Ala Asp Ser Glu Arg Ala Leu Ser Tyr Ile Gln Pro Leu  
 65 70 75 80

Asp Asp Lys Glu Val Tyr  
 85

<210> 30

<211> 96

<212> PRT

<213> Bacteriophage A500

<400> 30

Met Met Lys Met Glu Phe Gly Lys Glu Leu Leu Val Tyr Met Thr Phe  
 1 5 10 15

Leu Val Val Val Thr Pro Val Phe Val Gln Ala Ile Lys Lys Thr Glu  
 20 25 30

Leu Ile Pro Ser Lys Trp Leu Pro Thr Val Ser Ile Leu Val Gly Ala  
 35 40 45

Ile Leu Gly Ala Leu Ala Thr Ser Leu Asp Gly Ser Gly Ser Leu Ala  
 50 55 60

Thr Met Ile Trp Ala Gly Ala Leu Ala Gly Ala Gly Gly Thr Gly Leu  
 65 70 75 80

Phe Glu Gln Phe Thr Asn Arg Ala Lys Lys Tyr Gly Lys Asp Asp Lys  
 85 90 95

<210> 31

<211> 90

<212> PRT

<213> Bacteriophage PL-1

<400> 31

Met Gln Asn Glu Leu Leu Gln Val Leu Ala Ile Ala Phe Val Ile Ala  
 1 5 10 15

Pro Ile Thr Thr Gly Phe Thr Glu Ile Phe Lys Arg Tyr Thr Pro Ala  
 20 25 30

Glu Gly Lys Leu Leu Pro Val Leu Ser Ile Gly Thr Gly Ile Leu Leu  
 35 40 45

Ala Cys Val Trp Ala Met Ala Phe Gly His Leu Pro Leu Ile Gly Ala  
 50 55 60

Tyr Ala Leu Ala Gly Met Leu Ser Gly Leu Ala Ser Val Gly Val Tyr  
 65 70 75 80

Gln Ile Val Lys Pro Asn Glu Glu Val Lys  
 85 90

**VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ZUSAMMENARBEIT  
AUF DEM GEBIET DES PATENTWESENS**

Absender: ANMELDEAMT

An  
Andrea SCHÜSSLER  
Patentanwälte  
HUBER & SCHÜSSLER  
Truderinger Str. 246  
81825 München

Huber & Schüßler  
Patentanwälte

12. MRZ. 2003

Frist: .....

**PCT**

MITTEILUNG DES INTERNATIONALEN  
AKTENZEICHENS UND DES  
INTERNATIONALEN ANMELDEDATUMS

(Regel 20.5 c) PCT)

Aktenzeichen des Anmelders oder Anwalts <b>K 3125</b>		<b>WICHTIGE MITTEILUNG</b>
Internationales Aktenzeichen <b>PCT/DE 03/00124</b>	Internationales Anmelddatum (Tag/Monat/Jahr) <b>17. Januar 2003</b>	Prioritätsdatum (Tag/Monat/Jahr) <b>18. Januar 2002</b>
Anmelder <b>Deutsches Krebsforschungszentrum Stiftung des öffentlichen Rechts, u.a.</b>		
Bezeichnung der Erfindung <b>Konjugat zur Behandlung prokaryontischer Infektionen</b>		

1. Dem Anmelder wird mitgeteilt, daß der internationalen Anmeldung das oben genannte internationale Aktenzeichen und internationale Anmelddatum zuerkannt worden ist.

2. Weiterhin wird dem Anmelder mitgeteilt, daß das Aktenexemplar der internationalen Anmeldung

dem Internationalen Büro am **07. März 2003** übermittelt worden ist.

dem Internationalen Büro aus dem unten angegebenen Grund noch nicht übermittelt worden ist, das Internationale Büro aber ein Exemplar dieser Mitteilung erhalten hat.\*

Die erforderliche Überprüfung aufgrund nationaler Sicherheitsbestimmungen ist noch nicht erfolgt.  
 (Angabe des Grundes)

\* Das Internationale Büro überwacht die Übermittlung des Aktenexemplars durch das Anmeldeamt und unterrichtet den Anmelder über dessen Eingang (mit Formblatt PCT/IB/301). Ist das Aktenexemplar bei Ablauf des vierzehnten Monats nach dem Prioritätsdatum noch nicht eingegangen, teilt das Internationale Büro dies dem Anmelder mit (Regel 22.1 c)).

Name und Postanschrift des Anmeldeamts <b>DEUTSCHES PATENT- UND MARKENAMT 80297 München</b> Telefaxnr. (0 89) 21 95 - 22 21	Bevollmächtigter Bediensteter <b>Wasner</b> Wasner, Regierungsangestellte Telefonnr. (0 89) 21 95 - 4723/rh
---	--